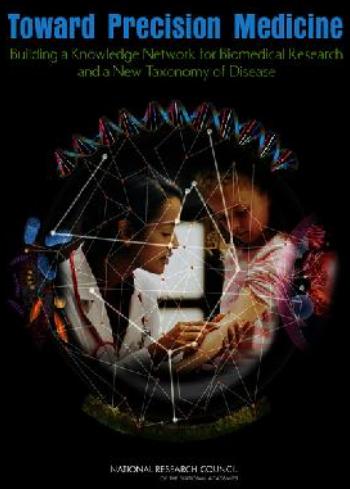


# Nasljedne metaboli ke bolesti u doba precizne medicine



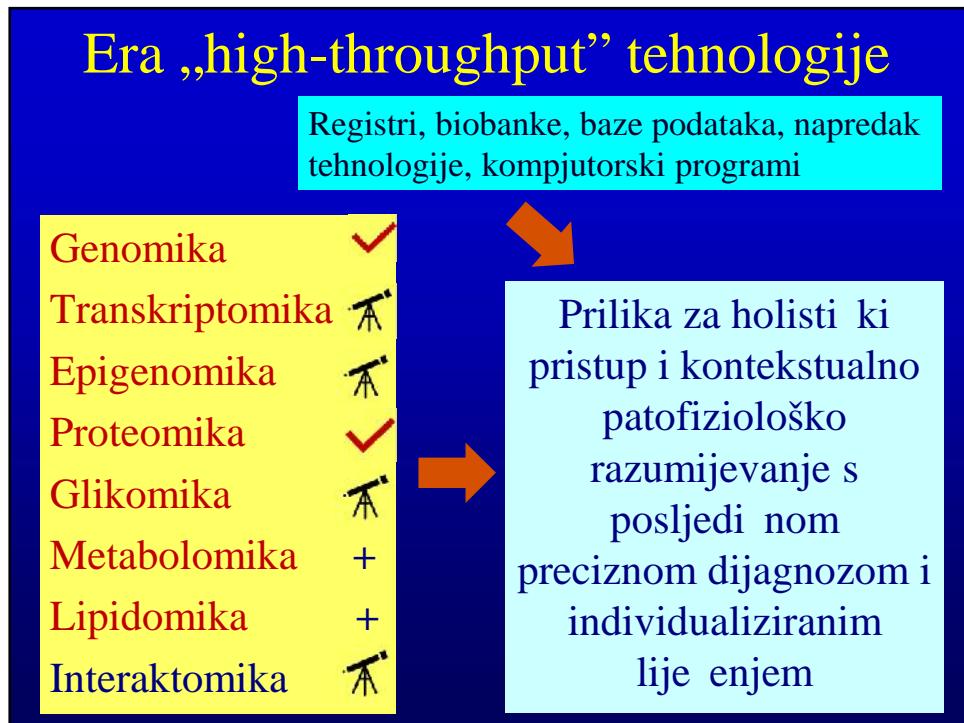
Ivo Bari

Klinika za pedijatriju, Klinički bolnički centar, Zagreb

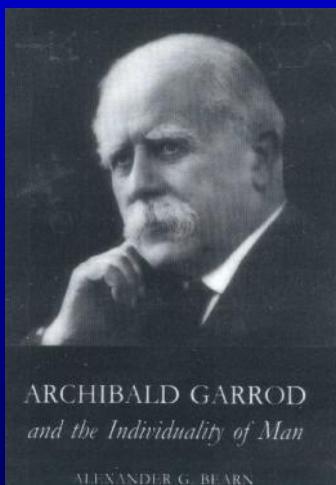


„4P-medicina”  
preventivna  
prediktivna  
personalizirana  
participiraju a

Hood L, Balling R, Auffray C. Revolutionizing medicine in the 21st century through systems approaches. *Biotechnol J*. 2012;7(8):992–1001. Provides an overview of the science and technological foundations of predictive, preventive, personalized and participatory healthcare.  
A New Biology for the 21st Century: Ensuring the United States Leads the Coming Biology Revolution. National Academies Press; MD, USA: 2009. National Research Council (US) Describes the transformative power of systems approaches to biology and medicine.



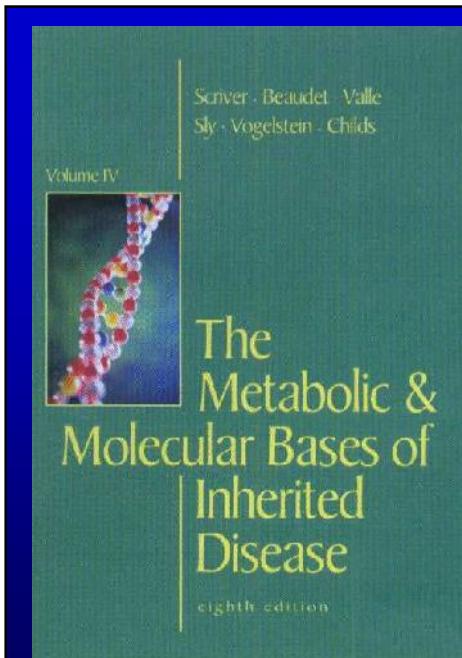
## Nasljedne metaboli ke bolesti- davn za eci precizne i personalizirane medicine



Garrod AE. The incidence  
of alkaptonuria. A study in  
chemical individuality.  
*Lancet* 1902;ii:1616-1620.

Garrord AE. Inborn errors  
of metabolism. Oxford  
University Press. Oxford,  
1909.

- alkaptonurija – cistinurija – pentozurija - albinizam -



2001. godina

☞ 4 sveska

☞ preko 500 autora

☞ oko 7000 stranica

☞ preko 500 bolesti

Danas: *on-line* izdanje, više  
od 1000 bolesti, broj autora ?

## Osobitost nasljednih metaboličkih bolesti - patogeneza

promjene gena (mutacije)

É

promjene genskog produkta (proteina)

É

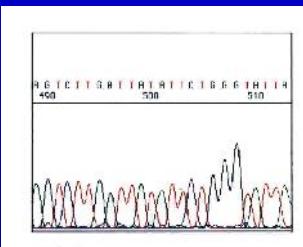
posljedične biokemijske promjene

É

promjene u kliničkoj slici

## Patogeneza – primjer fenilketonurije

mutacije gena za fenilalaninhidroksilazu



smanjena aktivnost  
fenilalaninhidroksilaze



povišena koncentracija fenilalanina



mentalna retardacija, neurološki  
ispadi

## Fenilketonurija- u inkovitost terapijskog odgovora na kofaktor sapropterin ovisna je o genotipu

Molecular Genetics and Metabolism 97 (2009) 165–171

Contents lists available at ScienceDirect

Molecular Genetics and Metabolism

journal homepage: [www.elsevier.com/locate/ymgme](http://www.elsevier.com/locate/ymgme)

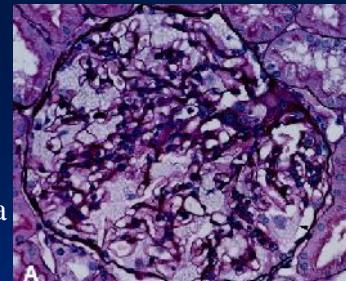
Genotype-predicted tetrahydrobiopterin ( $\text{BH}_4$ )-responsiveness and molecular genetics in Croatian patients with phenylalanine hydroxylase (PAH) deficiency

Iva Karačić<sup>a</sup>, David Meili<sup>b</sup>, Vladimir Sarnavka<sup>c</sup>, Caroline Heintz<sup>b</sup>, Beat Thöny<sup>b</sup>, Danijela Petković Ramadža<sup>c</sup>, Ksenija Fumić<sup>d</sup>, Duško Mardešić<sup>a,c</sup>, Ivo Barić<sup>a,c,\*</sup>, Nenad Blau<sup>b,e</sup>

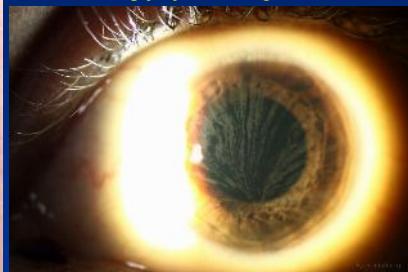
<sup>a</sup>School of Medicine, Zagreb, Croatia  
<sup>b</sup>Division of Clinical Chemistry and Biochemistry, University Children's Hospital, Steinwiesstrasse 75, 8032 Zürich, Switzerland  
<sup>c</sup>Department of Pediatrics, University Hospital Center, Zagreb, Croatia  
<sup>d</sup>Clinical Institute of Laboratory Diagnosis, University Hospital Center, Zagreb, Croatia

## Fabryjeva bolest

- Zbog manjka enzima -galaktozidaze A dolazi od nakupljanja glikosfingolipida, osobito globotriaosilceramida (GL-3, Gb-3), u endotelu krvnih žila i tkivima raznih organa



Nakupljanje GL-3 u glomerulima.



Lije enje: Simptomatska terapija, **enzimska nadomjesna terapija**, molekule pratitelji (migalastat), ovisno o genotipu !

<http://www.galafoldamenabilitytable.com/hcp>

## Gaucherova bolest- osnove

► Najčešća lizosomska bolest, uzrokovana manjkom enzima glukocerebrozidaze zbog mutacija gena *GBA* (dosad oko 300 mutacija)

Glukoziceramid (Glukocerebrozid)      Glukozilsfingozin

glukocerebrozidaza

Ceramid      Glukoza      Sfingozin

Vrlo rijetko bolest može biti uzrokovana i manjkom saponina C, aktivatora glukocerebrozidaze.

► Posljedica enzimskog manjka je nakupljanje glikolipida (glukocerebrozida- glukozilceramida) u monocitima i makrofagima u koštanoj srži, središnjem živčanom sustavu, jetri, slezeni, plućima

## Gaucherova bolest

► Ovisno o rezidualnoj aktivnosti, postoje 3 osnovna tipa:

Tip 1: kronični ili ne-neuropatski ili adulutni tip

Tip 2: akutni, infantilni neuropatski tip

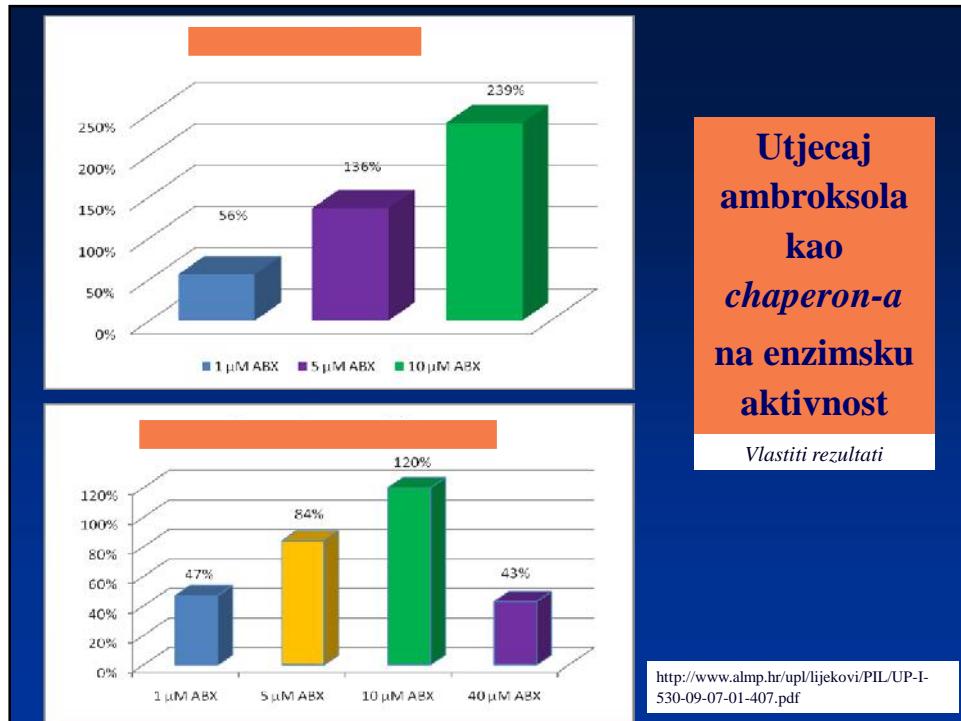
Tip 3: juvenilni, kronični neuropatski tip

Zapravo: kontinuirani spektar od najtežih do najblažih oblika

Liječenje: Simptomatsko, transplantacija hematopoetskih stanica, inhibicija sinteze supstrata, enzimska nadomjesna terapija, male molekule-pratitelji (ambroksol..)- ovisno o genotipu!

Incidencija ~ 1:75 000

Tip	Procenat
Tip 1	(90%)
Tip 2+3	(10%)



### Izazovi suo avanja s nalazima NGS-a

- est nalaz varijanti nepoznatog zna enja (VUS)
- esto nedostaje mogu nost funkcionalnog testiranja VUS-a, poglavito u doma im uvjetima
- Slab interes neprofitabilnih institucija za testiranje lanova obitelji na na ene mutacije u probanda
- esto nepotpuna informacija za vjerojatno patogene varijante (nedostaje objašnjenje patogenosti i/ili korištenje software-a za testiranje patogenosti)
- Vrijeme predvi eno za analizu nalaza i pretvaranje nalaza u shvatljivo pisano mišljenje konzumenta usluge je prekratko (kako od strane HZZO-a tako i realno s obzirom na druge obaveze lije nika)
- Nedefinirana obaveza unošenja lokalnih spoznaja u me unarodne baze podataka

## Izazovi suo avanja s nalazima NGS-a

- Ograni enja metode/nalaza (nepokrivenost pojedinih gena ili dijelova gena, nedetektiranje odre enih vrsta mutacija,...)
- Neregulirano navo enje usputnih (za aktualne simptome irelevantnih?) nalaza
- Neregulirana mogu nost naknadne analize nalaza, primjerice kad pacijent dobije nove simptome ili se pojave nove spoznaje (primjerice o nekim mutacijama ili tijeku bolesti)
- Nemogu nost korisnika da shvati nalaz i da ponese odgovornost za njegovo pravilno korištenje za sebe, svoju obitelj i roake; nedefiniran nositelj odgovornosit za prijenos informacije lanovima obitelji i njezino optimalno korištenje

## Neravnoteža ekspresije alela: Koliko zapravo heterozigota boluje od autosomno recesivnih bolesti? Pazimo li kako tuma imo rezultate NGS-a?

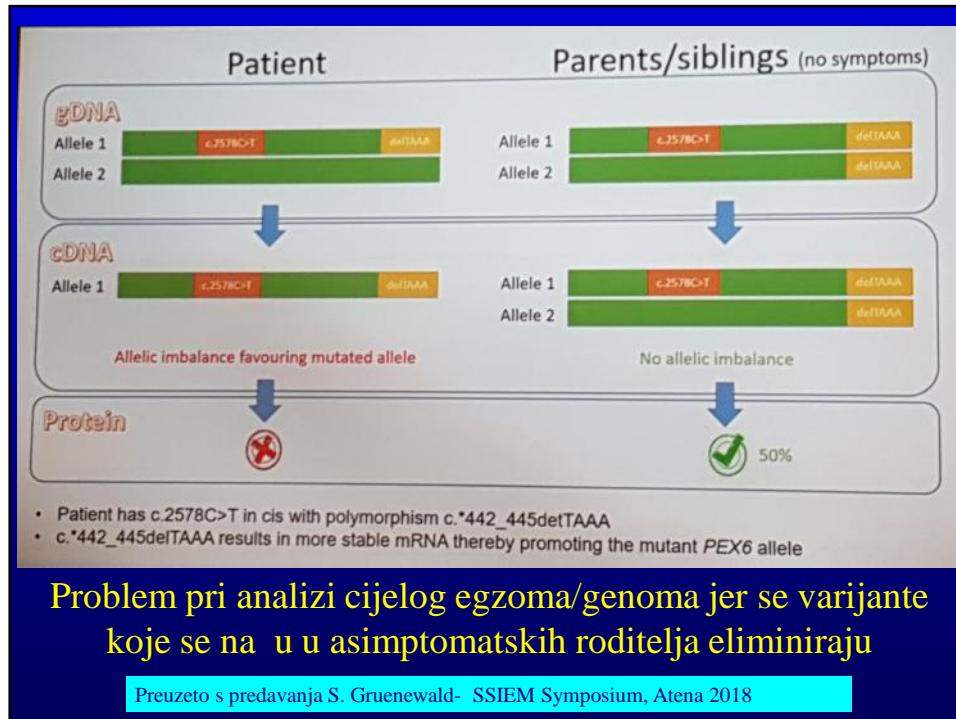
ARTICLE

### Allelic Expression Imbalance Promoting a Mutant *PEX6* Allele Causes Zellweger Spectrum Disorder

Kim D. Falkenberg,<sup>1</sup> Nancy E. Braverman,<sup>2</sup> Ann B. Moser,<sup>3</sup> Steven J. Steinberg,<sup>4</sup> Femke C.C. Klouwer,<sup>1,5</sup> Agatha Schlüter,<sup>6,7</sup> Montserrat Ruiz,<sup>6,7</sup> Aurora Pujol,<sup>6,7,8</sup> Martin Engvall,<sup>9,10</sup> Karin Naess,<sup>9,11</sup> Francjan van Spronsen,<sup>12</sup> Irene Körver-Keularts,<sup>13</sup> M. Estela Rubio-Gozalbo,<sup>13,14</sup> Sacha Ferdinandusse,<sup>1</sup> Ronald J.A. Wanders,<sup>1</sup> and Hans R. Waterham<sup>1,\*</sup>

Zellweger spectrum disorders (ZSDs) are autosomal-recessive disorders that are caused by defects in peroxisome biogenesis due to bi-allelic mutations in any of 13 different *PEX* genes. Here, we identified seven unrelated individuals affected with an apparent dominant ZSD in whom a heterozygous mutant *PEX6* allele (c.2578C>T [p.Arg860Trp]) was overrepresented due to allelic expression imbalance (AEI). We demonstrated that AEI of *PEX6* is a common phenomenon and is correlated with heterozygosity for a frequent variant in the 3' untranslated region (UTR) of the mutant allele, which disrupts the most distal of two polyadenylation sites. Asymptomatic parents, who were heterozygous for *PEX* c.2578C>T, did not show AEI and were homozygous for the 3' UTR variant. Overexpression models confirmed that the overrepresentation of the pathogenic *PEX6* c.2578T variant compared to wild-type *PEX6* c.2578C results in a peroxisome biogenesis defect and thus constitutes the cause of disease in the affected individuals. AEI promoting the overrepresentation of a mutant allele might also play a role in other autosomal-recessive disorders, in which only one heterozygous pathogenic variant is identified.

The American Journal of Human Genetics 101, 965–976, December 7, 2017 965



## Izazovi procjene nejasnih nalaza NGS-a- (mjesto metabolomike)

- Nužnost potvrde nejasnih nalaza NGS-a ili novorođena kog probira biokemijskim pretragama - optimalno naciljanom metabolomikom kao univerzalnom biokemijskom testnom metodom
- Problem integracije, pažljive interpretacije goleme količine podataka i pretvorbe u klinički smislenu informaciju i korisnu reakciju za pacijenta
- Metabolomika je važna za procjenu dijagnoze, patogeneze i pravene liječenja
- Nužna je suradnja, izmjena podataka, funkcionalni testovi za evaluaciju nalaza –omike

## Primjeri teškoća u interpretaciji NGS-a

1. Pacijent u dobi od godinu dana s epilepsijom i teškim psihomotoričkim zaostajanjem- epi-panel- missense mutacija c. 2239A>G gena (p.Thr747Ala) SCN9A nejasnog kliničkog značaja (je li uzrok?, tražiti dalje?)
2. Pacijentica 27 godina, unatrag pola godine s nejasnom diplopijom, slabosti, klecanjem, pulsirajućim glavoboljem, grčevima u listovima i prstima, sumnjom na mitohondriopatiju, psihički nestabilna- sama platila egzom- na ene mutacije u genu SYNE1 (*progresivna nelječiva bolest koja zahvaća mali mozak; opisana prije nekoliko godina*)- upit odgovara li nalaz klinički sličan obziru na kliničku sliku i MR mozga koji ne pokazuju zahvat cerebeluma ne odgovara- službeni nalaz- nije na eno ništa relevantno (kako ne reče pacijentici, što ako razvije simptome i nastavi se dijagnostikovanje, hoće li se javiti, što ako bolest postane lječiva, a dijagnoza ostane nepriopćena?)



## Povijest novoro ena kog skrininga

- 1961 R. Guthrie - *fenilketonurija*  
rane 70e galaktozemija, leucinoza, homocistinurija,  
cisti na fibroza  
1978 *konatalna hipotireoza*  
1987 manjak biotinidaze  
1995 kongenitalna adrenalna hiperplazija  
1996 tandemska spektrometrija masa- *poreme aji razgradnje masnih kiselina i karnitinskog ciklusa, organske acidurije*, aminoacidopatije,  
*...(incidencija 1:2000)*  
~ 2010 > teška kombinirana imunodeficijencija,  
lizosomske bolesti, X-vezana  
adrenoleukodistrofija.....

*Regionalno- mnoge druge bolesti (npr. hemoglobinopatije)*

U razvijenim zemljama  
probirom se otkriva i više od  
50 bolesti (aminoacidopatije,  
poremcćaji razgradnje  
masnih kiselina, organske  
acidurije,...)



Nepoznat udio otkrivenih koji  
nikad ne bi razvili simptome bolesti

## Budunost novorođena kog probira

- Sve veće korištenje drugostupanjskih testova
- Korištenje metoda masivne analize metaboloma
- Uključivanje masivnog sekvencioniranja gena (*whole exome sequencing, whole genome sequencing*) u novorođena kog probir
- Izrazito proširenje skrininga (u RH u poteku povećanje broja uključenih bolesti bez bitnog povećanja troška)
- Novi eti ki izazovi...



\*novorođena kog skrining je vrlo dinamična aktivnost i trajno je vrsta pilot-projekta !

## Završne poruke (trebalo bi...)

- Osigurati dovoljne dijagnostike kapacitete koji bi jamčili prihvatljivu razinu usluge
- Proširiti spektar usluga iz područja dijagnostike NGS-a (novi paneli, klinički egzom, cijeli egzom, cijeli genom)
- Povećati broj ljudi koji mogu dovoljno kvalitetno tumačiti prispjele nalaze NGS-a
- Postići i suglasje što uključiti, a što ne u nalaze NGS-a
- Ulagati u specifičnu edukaciju liječnika, genetičara, molekularnih biologa, bioinformaticara, biokemika...
- Osigurati stabilan rad postojeće opreme
- Dodatno proširiti novorođena kog probir (drugostupanjski testovi, testovi potvrde)
- Uvesti neciljanu analizu proteoma i metaboloma u dijagnostike svrhe
- Uskladiti napore za poboljšanje dijagnostike kroz kapaciteta (nacionalni konsensus, projekti od nacionalne važnosti, investicije od nacionalnog interesa)